



PLATAFORMA DE SERVICIOS (INVESTIGACIÓN) UNIDAD DE GENÓMICA

CATÁLOGO DE PRUEBAS 2020-2021 / PLAZO DE ENTREGA: variable, consultar. Estas pruebas pueden ampliarse bajo demanda

| NGS-Next Generation Sequencing | Precio |
|--|---------------|
| Secuenciación de librerías de NGS: | |
| Secuenciación S5 15-20 millones de lecturas de hasta 400 bases (Ion 530™ Chip) | 2.000 |
| Secuenciación S5 60-80 millones de lecturas de hasta 200 bases (Ion 540™ Chip) | 2.500 |
| Secuenciación carrera Illumina MiSeq 600v3 (up to 25 10 ⁶ lecturas) | 1.800 |
| Secuenciación S5 OncoPrint™ TCR Beta-SR Assay, DNA - Humano (n=12 muestras) | 6.600 |
| Secuenciación S5 OncoPrint™ BCR IGH SR Assay, DNA - Humano (n=12 muestras) | 6.600 |
| Caracterización Metagenómica 16S Illumina MiSeq (n=48 muestras) | 4.500 |
| Paneles NGS (Desde la extracción, hasta el envío de datos crudos de la secuenciación) | Precio |
| Panel de NGS para la identificación de biomarcadores en tumores sólidos. 161 genes (n=8 muestras) | 6.800 |
| <p>Mutaciones puntuales en hotspots: AKT1, AKT2, AKT3, ALK, AR, ARAF, AXL, BRAF, BTK, CBL, CCND1, CDK4, CDK6, CHEK2, CSF1R, CTNNA1, DDR2, EGFR, ERBB3, ERBB2, ERBB4, ERCC2, ESR1, EZH2, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGFR4, FLT3, FOXL2, GATA2, GNA11, GNAQ, GNAS, H3F3A, HIST1H3B, HNF1A, HRAS, IDH1, IDH2, JAK1, JAK2, JAK3, KDR, KIT, KNSTRN, KRAS, MAGOH, MAP2K1, MAP2K2, MAP2K4, MAPK1, MAX, MDM4, MED12, MET, MTOR, MYC, MYCN, MYD88, NFE2L2, NRAS, NTRK1, NTRK2, PDGFRA, PDGFRB, PIK3CA, PIK3CB, PPP2R1A, PTPN11, RAC1, RAF1, RET, RHEB, RHOA, ROS1, SF3B1, SMAD4, SMO, SPOP, SRC, STAT3, TERT, TOP1, U2AF1, y XPO1.</p> <p>Estudio de la secuencia codificante completa de: ARID1A, ATM, ATR, ATRX, BAP1, BRCA1, BRCA2, CDK12, CDKN1B, CDKN2A, CDKN2B, CHEK1, CREBBP, FANCA, FANCD2, FANCI, FBXW7, MLH1, MRE11A, MSH2, MSH6, NBN, NF1, NF2, NOTCH1, NOTCH2, NOTCH3, PALB2, PIK3R1, PMS2, POLE, PTCH1, PTEN, RAD50, RAD51, RAD51B, RAD51C, RAD51D, RB1, RNF43, SETD2, SLX4, SMARCA4, SMARCB1, STK11, TP53, TSC1 y TSC2.</p> <p>Cambios de copias (CNVs) en los siguientes genes: AKT1, AKT2, AKT3, ALK, AR, AXL, BRAF, CCND1, CCND2, CCND3, CCNE1, CDK2, CDK4, CDK6, CDKN2A, CDKN2B, EGFR, ERBB2, ESR1, FGF19, FGF3, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGFR4, FLT3, IGF1R, KIT, KRAS, MDM2, MDM4, MET, MYC, MYCL, MYCN, NTRK1, NTRK2, NTRK3, PDGFRA, PDGFRB, PIK3CA, PIK3CB, PPARG, RICTOR, TERT, TSC1 y TSC2.</p> <p>Reordenamientos (traslocaciones/fusiones) en los siguientes genes: ALK, AXL, BRAF, EGFR, ERBB2, ERBB3, ETV1, ETV4, ETV5, FGFR1, FGFR2, FGFR3, NTRK1, NTRK3, PDGFRA, PPARG, RAF1, RET, ROS1, AKT2, AR, BRCA1, BRCA2, CDKN2A, ERBB4, ESR1, FGR, FLT3, JAK2, KRAS, MDM4, MET, MYB, MYBL1, NF1, NOTCH1, NOTCH4, NRG1, NTRK2, NUTM1, PDGFRB, PIK3CA, PRKACA, PRKACB, PTEN, RAD51B, RB1, RELA, RSP02, RSP03 y TERT.</p> | |
| Panel de NGS para la identificación de biomarcadores en tumores pediátricos, sarcomas y neoplasias hematológicas. 203 genes (n=8 muestras) | 7.200 |
| <p>Mutaciones puntuales en hotspots: ABL1, ABL2, ALK, ACVR1, AKT1, ASXL1, ASXL2, BRAF, CALR, CBL, CCND3, CCR5, CDK4, CIC, CREBBP, CRLF2, CSF1R, CSF3R, CTNNA1, DAXX, DNMT3A, EGFR, EP300, ERBB2, ERBB3, ERBB4, ESR1, EZH2, FASLG, FBXW7, FGFR2, FGFR3, FLT3, GATA2, GNAQ, H3F3A, HDAC9, , HIST1H3B, HRAS, IDH1, IDH2, IL7R, JAK1, JAK2, JAK3, KDM4C, KDR, KIT, KRAS, MAP2K1, MET, MPL, MSH6, MTOR, NCOR2, NOTCH1, NPM1, NRAS, NTSC2, PAX5, PDGFRA, PDGFRB, PIK3CA, PIK3R1, PPM1D, PTPN11, RAF1, RET, RHOA, SETBP1, SETD2, SH2B3, SH2D1A, SMO, STAT3, STAT5B, TERT, TPMT, USP7 y ZMYM3.</p> <p>Estudio de la secuencia codificante completa de: APC, ARID1A, ARID1B, ATRX, CDKN2A, CDKN2B, CEBPA, CHD7, CRLF1, DDX3X, DICER1, EBF1, EED, FAS, GATA1, GATA3, GNA13, ID3, IKZF1, KDM6A, KMT2D, MYOD1, NF1, NF2, PHF6, PRPS1, PTCH1, PTEN, RB1, RUNX1, SMARCA4, SMARCB1, SOCS2, SUFU, SUZ12, TCF3, TET2, TP53, TSC1, TSC2, WHSC1, WT1 y XIAP.</p> <p>Cambios de copias (CNVs) en los siguientes genes: ALK, BRAF, CCND1, CDK4, CDK6, EGFR, ERBB2, ERBB3, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGFR4, GLI1, GLI2, IGF1R, KIT, KRAS, MDM2, MDM4, MET, MYC, MYCN, PDGFRA y PIK3CA.</p> <p>Reordenamientos (traslocaciones/fusiones) en los siguientes genes: ABL1, ABL2, ALK, BCL11B, BCOR, BCR, BRAF, CAMTA1, CCND1, CIC, CREBBP, CRLF2, CSF1R, DUSP22, EGFR, ETV6, EWSR1, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FLT3, FOSB, FUS, GLI1, GLIS2, HMGA2, JAK2, KAT6A, KMT2A, KMT2B, KMT2C, KMT2D, LMO2, MAML2, MAN2B1, MECOM, MEF2B, MET, MKL1, MLLT10, MN1, MYB, MYBL1, MYH11, MYH9, NCOA2, NCOR1, NOTCH1, NOTCH2, NOTCH4, NPM1, NR4A3, NTRK1, NTRK2, NTRK3, NUP214, NUP98, NUTM1, NUTM2B, PAX3, PAX5, PAX7, PDGFB, PDGFRA, PDGFRB, PLAG1, RAF1, RANBP17, RECK, RELA, RET, ROS1, RUNX1, SS18, SSBP2, STAG2, STAT6, TAL1, TCF3, TFE3, TP63, TSLP, TSPAN4, UBTX, USP6, WHSC1, YAP1, ZMYND11 y ZNF384.</p> <p>Cambios en la expresión de los siguientes genes: BCL2, BCL6, FGFR1, FGFR4, IGF1R, MET, MYCN, MYC y TOP2A.</p> | |
| Panel de NGS Tumor Mutational Burden (TMB) para la detección de mutaciones somáticas en 1.7 Mb en 409 oncogenes proporcionando información de la carga mutacional del tumor y mutaciones en hotspots (n=8 muestras) | 7.200 |
| Panel de NGS para la identificación de biomarcadores en biopsia líquida. 52 genes (n=4 muestras) | 3.600 |

| Extracción de Ácidos Nucléicos | Precio |
|---|---------------|
| Extracciones de DNA (sangre periférica, médula ósea, cultivos celulares, extensión celular, tejido fresco y parafina) | 5 |
| Extracciones de RNA (sangre periférica, médula ósea, cultivos celulares, extensión celular, tejido fresco y parafina) | 5 |
| Extracciones de cfDNA / cfTNA | 10 |
| Caracterización de la Calidad / Cantidad de Ácidos Nucléicos y Proteínas | Precio |
| Cuantificación por Qubit (dsDNA, RNA/microRNA, proteína) (1rxn) | 2 |
| Integridad de DNA genómico (Agilent 4200 Tape Station)(1rxn) | 6 |
| Integridad de RNA (Agilent 4200 Tape Station)(1rxn) | 6 |
| Calidad de producto PCR (Agilent 4200 Tape Station) (1rxn) | 6 |
| Otros | Precio |
| Secuenciación Sanger de producto PCR/plásmidos (1rxn) | 6 |
| Análisis de Fragmentos (1rxn) | 5 |
| Caracterización de líneas celulares humanas (1rxn) | 35 |
| Fragmentación con Covaris de gDNA para librerías de NGS | 8 |
| PCR digital / Biopsia líquida* | Ver nota |

Notas:

* Facturación PCR digital:

Una tarifa fija de 150 euros por cada tanda de ddPCR que se realiza (hasta un máximo de 96 reacciones).

Tarifa variable de 6 euros/reacción que se procesa.

CIMA LAB Diagnostics

[Pío XII, 55. 31008 Pamplona. España](#)

T +34 948 194 700

www.cimalabdiagnostics.es e-mail: cimalabdiagnostics@unav.es